

Animal : **Tatoo**

N° d'identification :	<b>250 268 780 633 231</b>	Propriétaire :	<b>Lola et Vincent JASPART PATAUX</b>
Race :	<b>Golden Retriever</b>	N° de prélèvement :	<b>E00934744</b> (prélevé le 27/08/2024)
Sexe :	<b>Mâle</b>	Code résultat :	<b>A00085793</b>
Date de naissance :	<b>18/11/2022</b>	Préleveur :	<b>Stephan MORELLE</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 30742)
Pedigree :			<b>Prélèvement authentifié</b>
Résultat établi le :	<b>12/09/2024</b>	Document établi le :	<b>12/09/2024</b>

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
<b>Atrophie Progressive de la Rétine</b>					
APR-prcd	PRCD c.5G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
GR-PRA1	SLC4A3 c.2601_2602insC	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
GR-PRA2	TTC8 c.699delA	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
<b>Ichtyose (ICT-A)</b>					
	PNPLA1 Indel dans l'exon 8	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
<b>Céroïde-Lipofuscinose Neuronale</b>					
	CLN5 c.934_935delAG	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
<b>Dystrophie Musculaire de Duchenne (GRMD)</b>					
	DMD A>G intron 6 splice acceptor site	Récessif lié à l'X	<b>Monozygote normal</b>	✓	✓
<b>Epidermolyse Bulleuse Dystrophique</b>					
	COL7A1 c.5716G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
<b>Hyperuricosurie (HUU)</b>					
	SLC2A9 c.616G>T	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
<b>Malformations Oculaires Congénitales</b>					
	SIX6 c.487C>T	Autosomique dominant à pénétrance incomplète	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
<b>Myélopathie Dégénérative (DM)</b>					
	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
<b>Neuropathie Ataxique Sensitive</b>					
	tRNA-tyr c.5304delA	Transmission maternelle	<b>Monozygote normal</b>	✓	✓
<b>Sensibilité Médicamenteuse MDR1</b>					
	MDR1 c.227_230delATAG	Autosomique codominant	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
<b>Syndrome Myasthénique Congénital</b>					
	COLQ c.880G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓

EXPLICATIONS
<b>Homozygote normal</b> : l'animal possède 2 copies normales du gène.
<b>Hétérozygote</b> : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.
<b>Homozygote muté</b> : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.

EXPRESSION	TRANSMISSION
✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.

Animal : **Tatoo**

N° d'identification :	<b>250 268 780 633 231</b>	Propriétaire :	<b>Lola et Vincent JASPART PATAUX</b>
Race :	<b>Golden Retriever</b>	N° de prélèvement :	<b>E00934744</b> (prélevé le 27/08/2024)
Sexe :	<b>Mâle</b>	Code résultat :	<b>A00085793</b>
Date de naissance :	<b>18/11/2022</b>	Préleveur :	<b>Stephan MORELLE</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 30742)
Pedigree :			Prélèvement <b>authentifié</b>
Résultat établi le :	12/09/2024	Document établi le :	12/09/2024

Les résultats des caractères morphologiques ne permettent pas de déterminer précisément l'apparence de l'animal, mais vous informent sur leur transmission à la descendance.

**CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES**

	<b>GÈNE</b> Mutation	<b>Mode</b> <b>d'expression</b>	<b>RÉSULTAT</b>
Locus I - Intensité (i)	MFSD12 c.151C>T	Autosomique récessif	<b>Faible voire absence du fauve (i/i)</b>
Poil Bouclé ou Ondulé (c <sup>1</sup> )	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	<b>Non porteur (C/C)</b>
Polydactylie	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	<b>Non porteur de polydactylie</b>
Shedding	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	<b>Chute de poils abondante</b>